

# การศึกษาความหลากหลายของยีน *HSP 70* ในไก่พื้นเมืองไทยสายพันธุ์ต่างๆ

## Study of *HSP 70* gene polymorphism in various strains of Thai indigenous chickens

ศุภนนท์ ตูนีม<sup>1</sup>, มนต์ชัย ดวงจินดา<sup>1\*</sup> และ สุภร กตเวทิน<sup>1</sup>

Supanon Tunim<sup>1</sup>, Monchai Duangjinda<sup>1\*</sup> and Supon Katavatin<sup>1</sup>

**บทคัดย่อ:** การศึกษาครั้งนี้มีวัตถุประสงค์เพื่อตรวจสอบการกระจายตัวและความหลากหลายของยีน *HSP 70* ซึ่งเกี่ยวข้องกับความสามารถทนร้อนในไก่พื้นเมืองไทย 4 สายพันธุ์ (ไก่ประดู่หางดำ ไก่เหลืองหางขาว ไก่แดง และ ไก่ซี) ด้วยเทคนิค PCR-RFLP พบการเกิด polymorphism ของยีน *HSP 70* ทั้ง 2 ตำแหน่ง โดยโลกัส C พบจีโนไทป์ 3 รูปแบบ (C1C1, C1C2 และ C2C2) โดยความถี่อัลลีล C1 และ C2 ในแต่ละสายพันธุ์มีค่าใกล้เคียงกัน และโลกัส M พบ 2 รูปแบบจีโนไทป์คือ M1M2 และ M2M2 โดยมีการกระจายตัวของจีโนไทป์ต่างกันเล็กน้อย และจากการตรวจสอบ Hardy-Weinberg's equilibrium พบว่าไก่พื้นเมืองไทยส่วนใหญ่อยู่ในสมดุลยเกินไก้แดง สำหรับความหลากหลายของยีน *HSP 70* ในแต่ละสายพันธุ์มีค่าใกล้เคียงกันโดยโลกัส C มีค่า  $H_E$  ในช่วง 0.389 - 0.502 ซึ่งสูงกว่าโลกัส M ที่มีค่าในช่วง 0.096 - 0.271 และการทดสอบความแตกต่างระหว่างประชากรด้วยค่า  $F_{ST}$  พบความแตกต่างระดับต่ำ จากการศึกษาสรุปได้ว่าไก่พื้นเมืองไทยทุกสายพันธุ์มีความเป็นไปได้สำหรับการสร้างไก่พื้นเมืองไทยสายทนร้อน โดยอาศัยยีน *HSP 70* ในการทดสอบเพื่อค้นหาเครื่องหมายทางพันธุกรรมที่เกี่ยวข้องกับลักษณะการทนร้อน โดยโลกัส C มีโอกาสในการใช้ประโยชน์ได้มากกว่าโลกัส M

**คำสำคัญ:** ไก่พื้นเมืองไทย, ความหลากหลาย, ยีน *HSP 70*

**Abstract:** The objective of this study was to investigate the genetic distribution and diversity of *HSP 70*, which related to cellular heat tolerance, in 4 strains of Thai indigenous chicken (TIC; Pradu Hangdam, Lueng Hangkhao, Dang and Chee) genotyped by PCR-RFLP technique. The polymorphism of *HSP 70* in 2 loci showed that C locus had three genotypes (C1C1, C1C2 and C2C2) with similar frequency among groups, whereas M locus had only M1M2 and M2M2 with a slightly difference in distribution between groups. The Hardy-Weinberg's equilibrium (HWE) test found most TIC population followed HWE except Dang. The expected heterozygosity ( $H_E$ ) of both loci were similar. C locus was more  $H_E$  than M locus (0.389 - 0.502 and 0.096 - 0.271 for C and M locus respectively). The result from subpopulation differentiation by  $F_{ST}$  was implied the low differentiation among groups. Therefore, it was concluded that all TIC groups were probably able to construct heat tolerance line by using *HSP 70* as genetic marker related to heat tolerance

**Keywords:** Thai indigenous chicken, diversity, *HSP 70*

<sup>1</sup> ภาควิชาสัตวศาสตร์ คณะเกษตรศาสตร์ มหาวิทยาลัยขอนแก่น 40002

Department of Animal Science, Faculty of Agriculture, Khon Kaen University, Khon Kaen 40002

\* Corresponding author: monchai@kku.ac.th

## บทนำ

ความสามารถในการทนร้อนเป็นลักษณะที่สำคัญต่อการผลิตสัตว์ปีกในประเทศไทยเนื่องจากมีสภาพอากาศร้อน โดยภาวะความเครียดจากความร้อน (heat stress) เป็นปัจจัยที่ส่งผลเสียต่อการผลิตสัตว์ปีก เช่น อัตราการกินได้และการเจริญเติบโตลดลง อัตราการตายเพิ่มสูงขึ้น (Al-Fataftah et al., 2007) ซึ่งการแก้ไขปัญหานี้ที่สำคัญวิธีหนึ่งคือการปรับปรุงพันธุ์ด้วยการคัดเลือกโดยอาศัยความผันแปรของยีน *HSP 70* (Heat shock protein 70) จากการศึกษาของชัยยุทธ (2551) ได้รายงานถึงอิทธิพลของรูปแบบจีโนไทป์ของยีน *HSP 70* ต่อความสามารถในการทนร้อนของไก่พื้นเมืองไทยสายพันธุ์ซีโดยไก่ที่มีรูปแบบจีโนไทป์เป็น C1C2/M2M2 มีความสามารถทนร้อนได้ดีกว่ารูปแบบอื่นที่ทำการศึกษาคือ C2C2/M2M2 และ C2C2/M1M2) แต่อย่างไรก็ตามพบว่าข้อมูลความหลากหลายและการกระจายตัวของยีน *HSP 70* ซึ่งจำเป็นในการพิจารณาโอกาสในการพัฒนาไก่พื้นเมืองไทย 4 สายพันธุ์ ได้แก่ ไก่ประดู่หางดำ ไก่เหลืองหางขาว ไก่แดง และไก่ซี ให้มีความสามารถในการทนร้อนยังมีอยู่จำกัด ดังนั้นจึงควรมีการศึกษาการกระจายตัวของยีน *HSP 70* และความหลากหลายเพื่อประเมินความเป็นไปได้สำหรับการคัดเลือกโดยอาศัยเครื่องหมายทางพันธุกรรมช่วยในการคัดเลือก รวมถึงเป็นข้อมูลพื้นฐานสำหรับการศึกษาความสัมพันธ์ของรูปแบบจีโนไทป์ต่อความสามารถในการทนร้อนของไก่พื้นเมืองไทยต่อไป

## วิธีการศึกษา

### สัตว์ทดลองและการเก็บตัวอย่าง

สุ่มเก็บตัวอย่างเลือดจากเส้นเลือดดำบริเวณใต้ปีกของไก่พื้นเมืองไทย 4 สายพันธุ์ ได้แก่ ไก่ประดู่หางดำ (PD) จาก ศูนย์เครือข่ายวิจัยและพัฒนาด้านการปรับปรุงพันธุ์ (ไก่พื้นเมือง) ไก่ซี (CH) จากศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์ท่าพระ ไก่เหลืองหางขาว (LK) และไก่แดง (DA) จาก

ศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์กบินทร์บุรี สายพันธุ์ละ 50 ตัว (เพศละ 25 ตัว)

### การสกัดดีเอ็นเอและการตรวจสอบรูปแบบจีโนไทป์ของไก่พื้นเมืองด้วยเทคนิค PCR-RFLP

การสกัดดีเอ็นเอจากตัวอย่างเลือดโดยดัดแปลงจากวิธีของ Goodwin et al. (2007) และตรวจสอบ genomic DNA ด้วย 0.8 % agarose gel electrophoresis จากนั้นตรวจสอบรูปแบบจีโนไทป์ยีน *HSP 70* ของไก่พื้นเมืองด้วยวิธี PCR-RFLP โดยเริ่มจากกระบวนการ PCR โดยใช้ไพรเมอร์ตามการศึกษาของ Mazzi et al. (2003) ได้แก่ F: 5'- AACCGCACCACA CCCAGCTATG - 3' และ R : 5'CTGGGAGTCGTT GAAGTAAGCG - 3' ตามวงรอบ PCR โดยใช้อุณหภูมิ annealing 58°C หลังจากนั้นตรวจสอบ PCR product ด้วย 2 % agarose gel electrophoresis และจำแนกรูปแบบจีโนไทป์ด้วยการตัดด้วยเอนไซม์ตัดจำเพาะ *Cfr I* และ *Mme* ตามวิธีการของชัยยุทธ (2551) เพื่อจำแนกจีโนไทป์ในโลกัส C และ M ตามลำดับ จากนั้นบันทึกรูปแบบจีโนไทป์สำหรับการวิเคราะห์ความหลากหลายและโครงสร้างทางพันธุกรรมของยีน *HSP 70*

### การวิเคราะห์ข้อมูล

วิเคราะห์ข้อมูลจากรูปแบบจีโนไทป์ของไก่แต่ละสายพันธุ์ โดยแบ่งเป็น 2 ส่วน ได้แก่ 1) ศึกษาโครงสร้างทางพันธุกรรมของประชากรจากความถี่จีโนไทป์และอัลลีล รวมถึงการทดสอบสมมติฐาน Hardy-Weinberg's ในสภาวะร่วมกันทั้ง 2 loci เนื่องจากมีการเกิด linked ต่อกัน 2) วิเคราะห์ความหลากหลายของยีน *HSP 70* โดยค่า expected heterozygosity และการวิเคราะห์ความแตกต่างระหว่างประชากรไก่พื้นเมืองไทยแต่ละสายพันธุ์ด้วยโปรแกรม FSTAT (V.2.9.3.2)

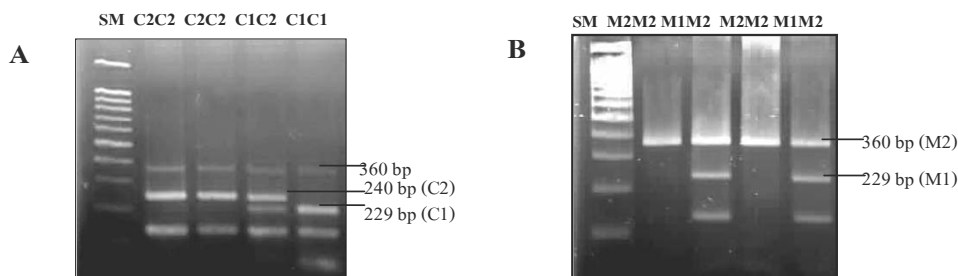
## ผลการศึกษาและวิจารณ์

### ความถี่จีโนไทป์และอัลลีลของยีน *HSP 70* ในไก่พื้นเมืองไทยทั้ง 4 สายพันธุ์

ตรวจสอบจีโนไทป์ของไก่พื้นเมืองไทยทั้ง 4 สายพันธุ์ พบการเกิด polymorphism ของทั้ง 2 โลกัส ดังภาพที่ 1 โดยโลกัส C พบจีโนไทป์ทั้ง 3 รูปแบบได้แก่ C1C1, C1C2 และ C2C2 แต่ที่โลกัส M พบเพียง 2 จีโนไทป์ได้แก่ M1M2 และ M2M2 โดยความถี่อัลลีลและจีโนไทป์แสดงในตารางที่ 1 พบว่าการกระจายตัวของจีโนไทป์ในประชากรของไก่พื้นเมืองไทยแตกต่างกันเล็กน้อย โดยเฉพาะโลกัส M ซึ่งไก่ประดู่หางดำมีจีโนไทป์ M1M2 เพียง 10% ของประชากร ในขณะที่สายพันธุ์อื่นพบถึง 24% - 32% ทั้งนี้พบว่าโลกัส C ของทุกสายพันธุ์มีความถี่ของอัลลีล C1 และ C2 ใกล้เคียงกัน ยกเว้นสายพันธุ์ชื่อนั้นชี้ให้เห็นว่าไก่พื้นเมืองไทยทั้ง 4 สายพันธุ์มีการกระจายตัวของจีโนไทป์แตกต่างกันเล็กน้อย แต่อย่างไรก็ตามพบว่าไก่พื้นเมืองไทยทุกสายพันธุ์มีความเป็นไปได้สำหรับใช้คัดเลือกเพื่อสร้างไก่พื้นเมืองสายพันธุ์อื่นเนื่องจากมีจีโนไทป์หลากหลาย โดยโลกัส M มีโอกาสในการใช้ประโยชน์ได้ยากเนื่องจากจีโนไทป์พบเพียงรูปแบบ M2M2 เป็นส่วนใหญ่และมีไก่ที่มีอัลลีล M1 จำนวนน้อย ซึ่งอาจไม่เพียงพอในการใช้ประโยชน์ นอกจากนี้จากการตรวจสอบสมมติ Hardy-Weinberg's โดยค่า  $\chi^2$  แสดงดังตารางที่ 1 พบว่าทุกสายพันธุ์อยู่ในสมดุลยกเว้นไก่แดงซึ่งอาจเกิดจากการได้รับผลกระทบจาก gene force รวมถึงไก่แดงอาจถูกรวบรวมสายพันธุ์จากไก่พื้นเมืองหลายกลุ่ม จึงทำให้ไม่เป็นตัวแทนที่ดีของประชากรในการทดสอบ

### ความหลากหลายและความแตกต่างของโครงสร้างทางพันธุกรรมของยีน *HSP 70*

การศึกษาครั้งนี้ใช้ค่า Expected heterozygosity ( $H_E$ ) บ่งชี้ถึงความหลากหลายทางพันธุกรรมของยีน *HSP 70* ดังตารางที่ 2 ซึ่งพบว่าความหลากหลายที่โลกัส C ในแต่ละสายพันธุ์มีค่าใกล้เคียงกันโดยมีค่าประมาณ 0.5 ยกเว้นสายพันธุ์ชื่อนั้น (0.389) ซึ่งพบความหลากหลายน้อยกว่าสายพันธุ์อื่น เช่นเดียวกับโลกัส M ซึ่งพบค่า  $H_E$  ในแต่ละสายพันธุ์มีค่าในช่วง 0.213 - 0.271 โดยสายพันธุ์ประดู่หางดำ (0.096) มีความหลากหลายน้อยกว่าสายพันธุ์อื่น แต่อย่างไรก็ตามพบว่าความหลากหลายทางพันธุกรรมของทุกสายพันธุ์มีความหลากหลายสูงกว่าไก่เนื้อสายพันธุ์ทางการค้า (broiler) โดย Akaboot et al. (2009) พบว่าไก่เนื้อสายพันธุ์ทางการค้ามีความหลากหลายของยีน *HSP 70* ค่อนข้างต่ำโดยมีค่า  $H_E$  ในโลกัส C และ M เท่ากับ 0.14 และ 0.29 ตามลำดับ (ตารางที่ 2) โดยทั้งนี้อาจเนื่องมาจากไก่เนื้อสายพันธุ์ทางการค้าได้รับการคัดเลือกลักษณะที่มความสำคัญทางเศรษฐกิจโดยอาจส่งผลทำให้อัลลีลในโลกัสต่างๆ ที่อาจเกี่ยวข้องมีความหลากหลายลดลง โดยจากข้อมูลดังกล่าวบ่งชี้ได้ว่าความหลากหลายทางพันธุกรรมของยีน *HSP 70* ในไก่พื้นเมืองไทยมีความหลากหลายสูงกว่าสายพันธุ์ทางการค้า จึงมีความเป็นไปได้สำหรับการคัดเลือกโดยอาศัยเครื่องหมายทางพันธุกรรมมากกว่าสายพันธุ์ทางการค้า นอกจากนี้ยังพบว่าไก่พื้นเมืองทุกสายพันธุ์มีความหลากหลายของโลกัส C มากกว่าโลกัส M โดยเฉพาะอย่างยิ่งในสายพันธุ์ประดู่หางดำซึ่งมีค่า  $H_E$  ในทั้ง 2 โลกัสแตกต่างกันค่อนข้างมาก ( $H_E$  เท่ากับ 0.5 และ 0.09 สำหรับโลกัส C และ M ตามลำดับ) นอกจากนี้ยังพบว่า



ภาพที่ 1 แสดงแถบดีเอ็นเอที่ได้จากการจำแนกจีโนไทป์ยีน *HSP 70* ด้วยเทคนิค PCR-RFLP ด้วย *Cfr* I (A) และ *Mme* I (B)

SM หมายถึง standard marker 100 bp (100 bp ladder)

**ตารางที่ 1** แสดงความถี่อัลลีล และค่า  $\chi^2$  ของยีน *HSP 70* ในไก่พื้นเมืองไทยทั้ง 4 สายพันธุ์

Frequency		PD (n = 50)	CH (n = 50)	LK (n = 50)	DA (n = 50)
Genotype frequency	C1C1/M1M2	0	0	0.06	0
	C1C2/M1M2	0.06	0.04	0.18	0.14
	C2C2/M1M2	0.04	0.20	0.08	0.16
	C1C1/M2M2	0.18	0.06	0.24	0.34
	C1C2/M2M2	0.48	0.34	0.30	0.28
Allele frequency	C1	0.45	0.25	0.54	0.55
	C2	0.55	0.75	0.46	0.45
	M1	0.05	0.12	0.16	0.15
	M2	0.95	0.88	0.84	0.85
	$\chi^2$ <sup>1/</sup>	1.81	6.34	3.45	22.15 <sup>2/</sup>

<sup>1/</sup> ค่า  $\chi^2$  จากตารางที่ระดับนัยสำคัญ 0.05 และ degree of freedom เท่ากับ 5 มีค่า 11.07

<sup>2/</sup> ค่า  $\chi^2$  ในประชากรที่เบี่ยงเบนจากสมมติฐาน HWE ( $P < 0.05$ )

**ตารางที่ 2** แสดงค่า Expected heterozygosity ( $H_E$ ) และค่า  $F_{ST}$  ของยีน *HSP 70* ในแต่ละโลกัสและสายพันธุ์

Loci	Thai indigenous breed				Commercial breed <sup>1/</sup>	$F_{ST}$
	PD	CH	LK	DA	Broiler	
C	0.500	0.389	0.502	0.501	0.14	0.062
M	0.096	0.213	0.271	0.257	0.29	0.015

<sup>1/</sup> ข้อมูลจาก Akaboot et al. (2009)

ความหลากหลายของโลกัส C มีมากกว่าโลกัส M ในไก่พื้นเมืองทุกสายพันธุ์โดยเฉพาะอย่างยิ่งในสายพันธุ์ประดู่หางดำ (0.500 และ 0.096 สำหรับโลกัส C และ M ตามลำดับ) จึงเป็นข้อมูลสนับสนุนว่าโลกัส C มีความเป็นไปได้อย่างมากกว่าโลกัส M สำหรับใช้ประโยชน์ในการค้นหาเครื่องหมายทางพันธุกรรม ผลการวิเคราะห์ความแตกต่างของโครงสร้างทางพันธุกรรมของยีน *HSP 70* ระหว่างประชากรของไก่พื้นเมืองไทยทั้ง 4 สายพันธุ์โดยพิจารณาจากค่า  $F_{ST}$  แสดงดัง**ตารางที่ 2** ซึ่งชี้ให้เห็นว่าความผันแปรของโลกัส C และ M ของไก่พื้นเมืองแต่ละสายพันธุ์มีความแตกต่างเพียง 6.2% และ 1.5% ตามลำดับ ซึ่งจัดว่ามีความแตกต่างในระดับต่ำ จึงสรุปผลได้ว่าโครงสร้างทางพันธุกรรมของยีน *HSP 70* ในไก่พื้นเมืองมีความแตกต่างกันน้อย

## สรุป

การกระจายตัวของยีน *HSP 70* ในประชากรไก่พื้นเมืองไทยทั้ง 4 สายพันธุ์ ได้แก่ ไก่ประดู่หางดำ ไก่เหลืองหางขาว ไก่แดง และไก่สี สรุปได้ว่าไก่พื้นเมืองไทยทุกสายพันธุ์มีความเป็นไปได้อย่างดีสำหรับการสร้างเป็นสายพันธุ์ โดยอาศัยยีน *HSP 70* สำหรับทดสอบเพื่อค้นหาเครื่องหมายทางพันธุกรรมที่เกี่ยวข้องกับลักษณะการทนร้อน โดยพิจารณาจากยีน *HSP 70* ในรูปแบบ combination โดยเน้นพิจารณาโลกัส C ซึ่งมีโอกาสใช้ประโยชน์ได้มากกว่าโลกัส M เนื่องจากมีการกระจายตัวและความหลากหลายทางพันธุกรรมสูงกว่า ซึ่งผลการศึกษาครั้งนี้เป็นเพียงการศึกษาข้อมูลพื้นฐานสำหรับการทดสอบความสัมพันธ์ของรูปแบบจีโนไทป์ของยีน *HSP 70* กับความสามารถในการทนร้อน และจำเป็นต้องมีการศึกษา

ในแต่ละสายพันธุ์เพิ่มเติมเพื่อพัฒนาเป็นเครื่องมือช่วยพันธุ์กรรมสำหรับการคัดเลือกไก่พื้นเมืองให้มีความสามารถในการทนร้อนต่อไป

### คำขอบคุณ

งานวิจัยนี้ได้รับการสนับสนุนส่วนหนึ่ง จากศูนย์ความเป็นเลิศด้านเทคโนโลยีชีวภาพเกษตร สำนักพัฒนาบัณฑิตศึกษาและวิจัยด้านวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี (สบว.) สำนักคณะกรรมการการอุดมศึกษา กระทรวงศึกษาธิการและศูนย์วิจัยเทคโนโลยีชีวภาพเกษตรเพื่อเศรษฐกิจที่ยั่งยืน มหาวิทยาลัยขอนแก่น, ศูนย์เครือข่ายวิจัยและพัฒนาด้านการปรับปรุงพันธุ์ (ไก่พื้นเมือง), ศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์บึงนาราง และ ศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์ท่าพระ กรมปศุสัตว์

### เอกสารอ้างอิง

- ชัยยุทธ ดวงเดือน. 2551. อิทธิพลของรูปแบบยีน *hsp* 70 ต่อความสามารถในการทนร้อนในไก่พื้นเมืองไทย. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต. มหาวิทยาลัยขอนแก่น, ขอนแก่น.
- Al-Fataftah, A.R.A., and Z.H.M. Abu-Dieyeh. 2007. Effect of chronic heat stress on broiler performance in Jordan. *Int. J. Poul. Sci.* 6: 64-70.
- Akaboot, P., M. Dungjinda, and Y. Phasuk. 2010. Genetic comparison of functional genes in Red jungle fowl, Thai native chicken and commercial chicken. *Proceeding the 14<sup>th</sup> AAAP Animal Science Congress.* August 23-27, 2010. Pingtung, Taiwan, ROC.
- Goodwin, W., L. Adrian, and H. Sibte. 2007. *An Introduction to Forensic Genetics.* John Wiley & Sons Ltd, Oxford.
- Goudet, J., 2001. FSTAT, a program to estimate and test gene diversities and fixation indices (version 2.9.3).
- Mazzi, C.M., J.A. Ferro, M.I.T. Ferro, V.J.M. Savino, A.A.D. Coelho and M. Macari. 2003. Polymorphism analysis of the *hsp70* stress gene in Broiler chickens (*Gallus gallus*) of different breeds. *Gent. Mol. Biol.* 26: 275-281.