

# ກາຣທດສອນຫາສາຍພັນຮູ້ພໍອແມ່ທີ່ເໝາະສົມສໍາຮັບສ້າງ

## ຂ້າວໂພດຂ້າວເໜີຍວລູກຜສມເດື່ອຍາ

### Identification of suitable parental lines for producing single cross waxy corn hybrid

ພຣະຍ ພຣະໂຄຕຣ<sup>1</sup>, ກມລ ເລີຄຣຕຣ<sup>1\*</sup>, ແລະ ພລັງ ສຸຣີຫາຣ<sup>1</sup>

Bhornchai Harakotr<sup>1</sup>, Kamol Lertrat<sup>1\*</sup>, and Bhalang Suriharn<sup>1</sup>

**ບທຄັດຢ່ອ:** ຄວາມສໍາເລົງຂອງກາຣພັດນາພັນຮູ້ລູກຜສມ ຂຶ້ນອູ້ກັບກາຣຄັດເລືອກສາຍພັນຮູ້ພໍອແມ່ທີ່ເໝາະສົມ ກາຣທີ່ກົບນີ້ມີວັດຖຸປະສົງຄ ເພື່ອທດສອນຫາສາຍພັນຮູ້ພໍອແມ່ ສໍາຮັບສ້າງຂ້າວໂພດຂ້າວເໜີຍວລູກຜສມເດື່ອຍາ ໂດຍກາຣນຳສາຍພັນຮູ້ແກ້ 11 ສາຍພັນຮູ້ ແປ່ງເປັນສາຍພັນຮູ້ແມ່ 5 ສາຍພັນຮູ້ ແລະສາຍພັນຮູ້ພໍອ 6 ສາຍພັນຮູ້ ສ້າງລູກຜສມ ໂດຍວິທີ North Carolina mating design II ໄດ້ລູກຜສມເດື່ອຍາທັງໝາດ 30 ຄູ່ຜສມ ທຳກາຣປະເມີນໃນຄຸດຟັນ ຮະຫວ່າງເດືອນກຽກງາມ ປຶ້ງ ກັນຍານ 2552 ວິນ ມາວະພີ່ຊັກ ຄະເນເກະຕົວຮາສຕົວ ມາວະວິທາຍາລັຍຂອນແກ່ນ ວັງແນກກາຣທດລອງແນບ Randomized Complete Block (RCB) ມີ 3 ຊຳ ລົດຈາກກາຣທີ່ກົບນີ້ ພບວ່າ ສາຍພັນຮູ້ HJ ເໝາະສໍາຮັບເປັນສາຍພັນຮູ້ແມ່ ເນື່ອຈາກມີຄ່າຄວາມສາມາດໃນກາຣວິມັດຕັກ ທົ່ວໄປສູງ ໃນລັກໜະນະຜລົດິຕ ແລະສາຍພັນຮູ້ DL ແລະ BW ເໝາະສໍາຮັບເປັນສາຍພັນຮູ້ພໍອ ຈາກກາຣວິເຄຣະທີ່ໂດຍໃຫ້ໂປຣແກຣມ GGE-biplot ພບວ່າ ຄູ່ຜສມ HJ/BW ແລະ HJ/NU-58 ມີສັກຍາກຟໃນກາຣໃໝ່ຜລົດິຕສູງ ນອກຈາກນີ້ ຍັງມີຄ່າຄວາມສາມາດໃນກາຣວິມັດຕັກ ແລະຄ່າຄວາມດີເດີນຂອງລູກຜສມສູງ ຖມຄື່ນມີລັກໜະນະທາງກາຣເກະຕົວທີ່ດີ

**ຄຳສຳຄັນ:** ຄວາມສາມາດໃນກາຣວິມັດຕັກ ຄວາມດີເດີນຂອງລູກຜສມ GGE-biplot analysis Zea mays var. ceratina

**Abstract:** The success in developing hybrid varieties is depend on the choice of parental lines. The objective of this study was to identify suitable parental lines for producing single cross waxy corn hybrids. Eleven inbred lines, six males and five females were crossed in North Carolina mating design II. The 11 parental lines and their 30 crosses were evaluated using Randomized Complete Block (RCB) with three replications in the rainy season 2009 at Experimental Farm of Khon Kaen University. The result indicated that HJ inbred line is suitable for using as female parent, because it has high and positive GCA value for yield. DL and BW inbred lines are suitable for use as male parent. For GGE-biplot analysis based on yield, HJ/BW and HJ/NU-58 were the best potential hybrids, which exhibited high value of SCA, heterosis and good agronomic traits.

**Keywords:** combining ability, heterosis, GGE-biplot analysis, *Zea mays* var. *ceratina*

<sup>1</sup> ກາຄວິຫາພື້ນຄາສຕົວ ແລະກົມພາກກາຣເກະຕົວ ຄະເນເກະຕົວຮາສຕົວ ມາວະວິທາຍາລັຍຂອນແກ່ນ 40002

Department of Plant Science and Agricultural Recourses, Faculty of Agriculture, Khon Kaen University, Khon Kaen 40002, Thailand

\* Corresponding author: kamol9@gmail.com

บทนำ

ในปัจจุบันข้าวโพดข้าวเหนียว (waxy or glutinous corn) เป็นข้าวโพดรับประทานฝักสดที่มีบทบาท และเป็นที่ยอมรับในตลาดเพิ่มมากขึ้น มีการปลูกและบริโภคในประเทศไทย จีน (ตอนใต้) เวียดนาม เกาะลีลาว และได้หัวน์ โดยคาดว่ามีชาวເອົ້າບໍລິການข้าวโพดข้าวเหนียวไม่ต่ำกว่าปีละ 300-600 ล้านคน ดังนั้น บริษัทผลิตเมล็ดพันธุ์ระดับนานาชาติ ได้เล็งเห็นศักยภาพของตลาด ดังกล่าว จึงขยายการลงทุนและวิจัยเพื่อพัฒนาสายพันธุ์ข้าวโพดข้าวเหนียวอย่างเต็มที่ (ปรัชญา, 2550) แต่ปัญหาที่สำคัญ คือ พันธุ์ข้าวโพดข้าวเหนียวที่เกษตรกรใช้ส่วนใหญ่เป็นพันธุ์ผสมเปิด และเก็บเมล็ดพันธุ์ไว้ใช้เอง ส่งผลให้มีความแปรปรวนในลักษณะผลผลิต และคุณภาพการรับประทาน รวมถึงค่อนแคร่งต่อโรค และแมลง ทำให้หลายฯ หน่วยงานได้เล็งเห็นความสำคัญของสภาพปัญหาดังกล่าว จึงมุ่งเน้นปรับปรุงพันธุ์ข้าวโพดข้าวเหนียวพันธุ์ผสมเปิดไปสู่พันธุ์รูปแบบเดิมๆ เนื่องจากให้ผลผลิตสูง คุณภาพดี และสม่ำเสมอ

ความสำเร็จของการพัฒนาพันธุ์ลูกผสมขึ้นอยู่กับการคัดเลือกสายพันธุ์พ่อแม่ที่เหมาะสม โดยโอกาสที่จะได้ลูกผสมที่ดีมีเพียง 0.01 % เท่านั้น (Hallauer and Miranda, 1988) การพิจารณาสายพันธุ์ที่มีความเหมาะสมสมiliar รับเป็นสายพันธุ์พ่อแม่ที่ดี เริ่มต้นจากทดสอบความสามารถในการรวมตัวของสายพันธุ์แท้ซึ่งลูกผสมที่ได้มาจากการคัดเลือกสายพันธุ์พ่อแม่ที่มีค่าความสามารถในการรวมตัวทั่วไปสูงที่สุด ในลักษณะนั้นฯ สำหรับค่าความสามารถในการรวมตัวเฉพาะมีความสัมพันธ์กับความดีเด่นของลูกผสม โดยมีค่าสูงในคู่ผสมที่มีความแตกต่างทางพันธุกรรม และมีค่าต่ำในคู่ผสมที่มีฐานพันธุกรรมใกล้เคียงกัน หรือมีความเกี่ยวของเป็นเครือญาติกัน (Baker, 1978) นอกจากนี้จากการลักษณะข้างต้น ดังกล่าว นักปรับปรุงพันธุ์พืชยังต้องคำนึงถึงผลผลิตของสายพันธุ์แท้ ความต้องการของเกษตรกร และผู้บริโภคร่วมด้วย (Hallauer, 2001) ทำให้การตัดสินใจคัดเลือกคู่ผสมในนั้น มีความซับซ้อนอยู่มาก บัญญัน ไม่มีการพัฒนาโปรแกรมช่วยในการตัดสินใจคัดเลือกพันธุ์พืช คือ โปรแกรม GGE-biplot

software ซึ่งสามารถใช้ประเมินพันธุ์/ผู้สมที่ดีที่สุด จากลักษณะเป้าหมายที่เราสนใจได้ (Yan and Kang, 2003) ดังนั้น วัตถุประสงค์ในการศึกษาครั้งนี้ เพื่อ ทดสอบหนาสายพันธุ์พ่อแม่ที่เหมาะสม สำหรับสร้าง ข้าวโพดข้าวเหนียวลูกผสมเดี่ยว โดยใช้โปรแกรม GGE-biplot ช่วยในการตัดสินใจ

วิธีการศึกษา

ในการศึกษาครั้งนี้ นำข้าวโพดเข้าเวเนียสายพันธุ์  
แท้ จำนวน 11 สายพันธุ์ โดยแบ่งเป็นสายพันธุ์แม่  
5 สายพันธุ์ ได้แก่ 101bt HJ BW 209BBQ และ 106wx  
พิจารณาจากความสามารถในการปล่อยละอองเกสร  
สร้างลูกผสมตามแผนการผสมพันธุ์แบบ North Carolina  
mating design II ได้ลูกผสมเดียวทั้งหมด 30 คู่ผสม  
ปลูกทดสอบร่วมกับพันธุ์ถุงการคำ 3 พันธุ์ ในฤดูฝน  
ปี พ.ศ. 2552 ณ หมู่บ้านพืชผัก คณะเกษตรศาสตร์  
มหาวิทยาลัยขอนแก่น วางแผนการทดลองแบบ  
Randomized Complete Block (RCB) จำนวน 3 ชั้น  
ข้อมูลที่บันทึก ประกอบด้วย น้ำหนักฝักสดทั้งเปลือก  
น้ำหนักฝักสดหลังปอกเปลือก ความกว้างฝัก ความยาว  
ฝัก อายุออกใหม ความสูงต้น และ % เนื้อ วิเคราะห์  
ข้อมูลทางสถิติตามแผนการทดลองแบบ RCB เปรียบ  
เทียบค่าเฉลี่ยโดยวิธี Least significant difference (LSD)  
วิเคราะห์ความสามารถในการรวมตัว ค่าความดีเด่น  
ของลูกผสม และใช้โปรแกรม GGE-biplot (Yan and  
Kang, 2003) ช่วยในการตัดสินใจคัดเลือกคู่ผสมที่ดี  
โดยพิจารณาในลักษณะน้ำหนักฝักสดทั้งเปลือก  
น้ำหนักฝักสดหลังปอกเปลือก และ % เนื้อ

ผลการศึกษาและวิจารณ์

## การวิเคราะห์ความแปรปรวน

การวิเคราะห์ความแปรปรวนของลักษณะที่ทำ  
การศึกษา คือ น้ำหนักผักสดทั้งเปลือก น้ำหนัก  
ผักสดหลังปอกเปลือก ความกว้างฝัก ความยาวฝัก  
%เนื้อ ความมสูงต้น และอายุออกใหม่ พบว่า ทุกลักษณะ

ມີຄວາມແຕກຕ່າງກັນອ່າງມີນິຍສຳຄັງຢູ່ໃນທາງສົດຕືລື  
( $p < 0.01$ ) (Table 1)

### ຜລຜລິຕິຜັກສົດ

ຄູ່ຜສມ HJ/204W 106wx/BW ແລະ 209BBQ/HJ ເປັນພັນຖຸທີ່ມີນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກສູງສຸດ ສາມອັນດັບແຮກ ມີຄ່າເທົ່າກັບ 2,548 2,324 ແລະ 2,304 ກກ.ຕ່ອໄໝ ຕາມ ລຳດັບ ຄູ່ຜສມ HJ/DL HJ/204W ແລະ HJ/BW ເປັນພັນຖຸທີ່ມີນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກສູງສຸດສາມອັນດັບແຮກ ມີຄ່າເທົ່າກັບ 1,508 1,502 ແລະ 1,477 ກກ.ຕ່ອໄໝ ຕາມ ລຳດັບ

### ອົງດປະກອບຜລຜລິຕິ

ຄູ່ຜສມ HJ/DL ມີຄວາມກວ້າງຜັກມາກທີ່ສຸດ ດືອນ 4.57 ຊມ. ຄູ່ຜສມ 106wx/BW ມີຄວາມຍາວຜັກມາກທີ່ສຸດ ດືອນ 18 ຊມ. ແລະ ຄູ່ຜສມ HJ/BW ມີ % ເນື້ອສູງທີ່ສຸດ ດືອນ 66.90 %

### ລັກຂະນະທາງການເກຫຍທຣ

ຄູ່ຜສມ 106wx/BW BW/HJ ແລະ 101bt/HJ ມີຄວາມສູງຕົ້ນສູງທີ່ສຸດສາມອັນດັບແຮກ ມີຄ່າເທົ່າກັບ 185 181 ແລະ 172 ຊມ. ຕາມ ລຳດັບ ຄູ່ຜສມ 106wx/DL 106wx/204W ແລະ 106wx/NU-58 ມີອາຍຸອອກໄໝເວົ້ວທີ່ສຸດ ສາມອັນດັບແຮກ ມີຄ່າເທົ່າກັບ 40 41 ແລະ 41 ວັນ ຕາມ ລຳດັບ

### ຄວາມດີເດັ່ນຂອງລູກຜສມ

ຄູ່ຜສມທີ່ມີຄ່າຄວາມດີເດັ່ນຂອງລູກຜສມເໜືອຄ່າເຂົ້າລື່ຍພ່ອແມ່ (mid-parents heterosis; MPH) ໃນລັກຂະນະນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກ ດືອນ 101bt/BW 106wx/BW ແລະ BW/DL ມີຄ່າເທົ່າກັບ 337.72 297.72 ແລະ 158.30 % ຕາມ ລຳດັບ ສໍາໜັບນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກຄູ່ຜສມ HJ/204W 101bt/BW ແລະ 106wx/NU-58 ມີຄ່າເທົ່າກັບ 369.99 327.98 ແລະ 205.72 % ຕາມ ລຳດັບ

ຄູ່ຜສມທີ່ມີຄ່າຄວາມດີເດັ່ນຂອງລູກຜສມເໜືອກວ່າພ່ອແມ່ທີ່ດີ (high-parents heterosis; HPH) ໃນລັກຂະນະນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກ ດືອນ 101bt/BW 106wx/BW ແລະ 106wx/NU-58 ມີຄ່າເທົ່າກັບ 261.12 198.11 ແລະ 120.84 % ຕາມ ລຳດັບ ສໍາໜັບນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກຄູ່ຜສມ HJ/204W 101bt/BW ແລະ 106wx/NU-58 ມີຄ່າເທົ່າກັບ

282.22 229.09 ແລະ 203.50 % ຕາມ ລຳດັບ

### ຄວາມສາມາດຮັດໃນກາງຮັມຕັ້ງ

ສາຍພັນຖຸແມ່ທີ່ມີຄ່າຄວາມສາມາດຮັດໃນກາງຮັມຕັ້ງທ່ານໄປໃນລັກຂະນະນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກແລະ ພົກເປົກສູງທີ່ສຸດ ດືອນ HJ ມີຄ່າເທົ່າກັບ 177.16 ແລະ 164.47 ຕາມ ລຳດັບ ສໍາໜັບສາຍພັນຖຸພ່ອ ດືອນ DL ມີຄ່າເທົ່າກັບ 168.87 ແລະ 122.21 ຕາມ ລຳດັບ

ຄູ່ຜສມທີ່ມີຄ່າຄວາມສາມາດຮັດໃນກາງຮັມຕັ້ງເຊີພະໃນດ້ານນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກສູງທີ່ສຸດ ສາມອັນດັບແຮກ ດືອນ 106wx/BW 209BBQ/HJ ແລະ BW/204W ມີຄ່າເທົ່າກັບ 412.54 399.46 ແລະ 364.75 ຕາມ ລຳດັບ ສໍາໜັບນໍ້າໜັກຜັກສົດທັງປົກເປົກສູງທີ່ສຸດ ສາມອັນດັບແຮກ ດືອນ BW/204W BW/HJ ແລະ 101bt/HJ ມີຄ່າເທົ່າກັບ 255.74 251.26 ແລະ 250.41 ຕາມ ລຳດັບ

### ກາຮຕັດສິນໃຈຕັດເລືອກພັນຖຸໂດຍໃຫ້ໂປຣແກຣມ GGE-biplot

ກາຮເປົ້າປະເປົ້າໃຫ້ບໍ່ຄູ່ຜສມທີ່ດີທີ່ສຸດ ໂດຍໃຫ້ໂປຣແກຣມ GGE-biplot ແສດງໃນ Figure 1 ໂດຍຈຸດຄູນຍົກລາງແສດງ ຕໍາແນ່ງຄູ່ຜສມທີ່ດີທີ່ສຸດ ກລາວ ດືອນ ເປັນງູ່ຜສມທີ່ມີຄ່າເຂົ້າລື່ຍຂອງລັກຂະນະທີ່ກໍາລົງການສຶກສາແລະ ເສີຍວາພສູງ ດັ່ງນັ້ນ ຄູ່ຜສມທີ່ມີຜລຜລິຕິສູງສຸດ 5 ອັນດັບແຮກ ດືອນ HJ/DL (V11) 101bt/DL (V5) 101bt/BW (V2) HJ/BW (V8) ແລະ HJ/NU-58 (V10) ເນື້ອພິຈາລະນາເຈົ້າພຸດພົມພົບວ່າ ຄູ່ຜສມ HJ/DL 101bt/DL ແລະ 101bt/BW ມີຜລຜລິຕິສູງ ດັ້າພິຈາລະນາ % ເນື້ອຮ່ວມດ້ວຍພບວ່າ ຄູ່ຜສມ HJ/BW ແລະ HJ/NU-58 ເປັນຄູ່ຜສມທີ່ມີຜລຜລິຕິ ແລະ % ເນື້ອສູງ ອຍ່າງໄວ ກີ່ຕາມ ກາຮຕັດເລືອກຄູ່ຜສມໃດໜຶ່ງອູ້ກັບວັດຖຸປະສົງ ຂອງນັກປັບປຸງພັນຖຸ (Yan and Fregeau-Reid, 2008) ດັ້າຕ້ອງກາຮຕັດເລືອກພັນຖຸເພື່ອຜລຜລິຕິສູງສໍາໜັບເກຫຍທຣ ກາຮຕັດເລືອກຄູ່ຜສມ HJ/DL 101bt/DL ແລະ 101bt/BW ແຕ່ດັ້າວັດຖຸປະສົງຂອງກາຮປັບປຸງພັນຖຸເພື່ອຜູ້ບົກໂກຄ ກາຮເລືອກຄູ່ຜສມ HJ/BW ແລະ HJ/NU-58 ທີ່ມີ % ເນື້ອສູງ ແຕ່ຜລຜລິຕິທຳກ່າວ່າຄູ່ຜສມຂ້າງຕົ້ນ ນອກຈາກນີ້ໂປຣແກຣມ GGE-biplot ຍັງສາມາດໃຫ້ກາຮຕັດເລືອກພັນຖຸ ໂດຍພິຈາລະນາຈາກຫລາຍໆ ລັກຂະນະ (genotype by multiple traits) ໄປພ້ອມໆ ກັນໄດ້ໃຫ້ດຽວນີ້ກາຮຕັດເລືອກ (selection index) ກາຮປະເນີນຄວາມໄກລ້ອືບຂອງລັກຂະນະທີ່ກັດເລືອກ

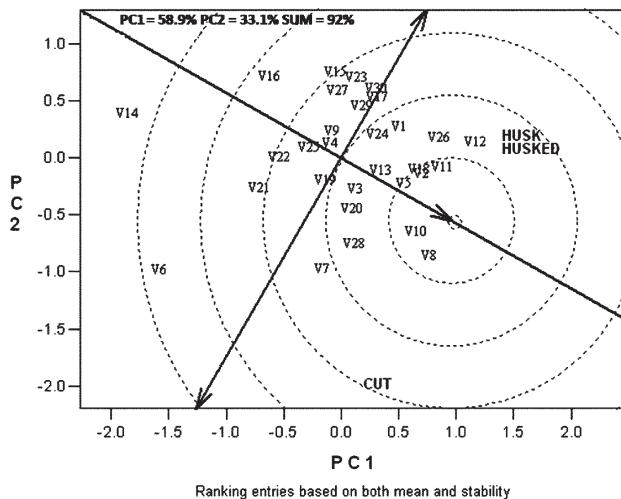
**Table 1** Means, general combining ability (GCA), specific combining ability (SCA), mid-parents heterosis (MPH) and high-parents heterosis (HPH) estimates for yields, yield components and agronomic traits for parental lines and top ten hybrids in the rain season 2009.

Varieties	Husk ear weight (kg rai <sup>-1</sup> )	Husked ear weight (kg rai <sup>-1</sup> )		Ear diameter (cm)		Ear length (cm)		Plant height (cm)		Silking date (day)		Kernel weight (%)
Parents	mean	GCA	mean	GCA	mean	GCA	mean	GCA	mean	GCA	mean	GCA
<b>Females</b>												
101bt	600	-30.87	440	-13.31	3.0	0.09	9.0	-0.93	89	-10.57	50	-0.53
HJ	1,328	177.16	744	164.47	3.9	0.24	12.0	0.73	112	4.69	48	0.47
BW	593	-121.97	387	-89.86	3.0	-0.03	8.2	-0.94	104	-5.30	50	2.08
209BQ	1,171	-97.20	692	-90.96	3.2	-0.12	14.4	0.48	133	2.37	45	-0.09
106wx	780	72.88	378	29.67	3.1	-0.18	9.5	0.66	102	8.81	48	-1.92
<b>Males</b>												
HJ	1,671	80.19	808	-85.33	3.7	0.03	12.7	-0.21	128	16.02	49	1.32
BW	1,390	-82.97	970	65.25	2.9	0.05	8.0	-0.10	107	1.72	49	0.59
209WS	1,108	-150.47	717	-38.45	3.6	0.23	12.3	0.08	134	6.36	49	0.46
NU-58	870	-122.97	383	-49.37	3.4	0.18	10.5	0.49	127	-1.65	46	-1.08
DL	1,012	168.87	649	122.21	4.0	-0.28	10.1	-0.46	114	-5.33	45	-0.81
204W	1,208	107.37	718	-14.31	3.6	-0.22	11.1	0.21	126	-17.12	45	-0.48

**Table 1** Means, general combining ability (GCA), specific combining ability (SCA), mid-parents heterosis (MPH) and high-parents heterosis (HPH) estimates for yields, yield components and agronomic traits for parental lines and top ten hybrids in the rain season 2009. (Continue)

Variety	Husk ear weight (kg rai <sup>-1</sup> )				Husked ear weight (kg rai <sup>-1</sup> )				Ear diameter (cm)				Ear length (cm)				Plant height (cm)				Siling date (day)				Kernel weight (%)			
	Hybrid	mean	MPH	HPH	SCA	mean	MPH	HPH	SCA	mean	MPH	HPH	SCA	mean	MPH	HPH	SCA	mean	MPH	HPH	SCA	mean	MPH	HPH	SCA			
101b/HJ	2.164	90.6	29.5	193.03	1,348	116.0	66.8	250.41	4.3	28.4	16.2	0.11	14.9	37.8	17.9	0.67	17.3	59.51	34.90	12.08	-0.60	56	18.29	15.89	-5.78			
101b/BW	2.167	337.7	261.1	358.89	1,448	328.0	229.1	199.83	4.5	150.6	48.9	0.26	15.6	85.1	75.2	1.39	158	61.81	47.82	11.88	42	14.48	-14.77	-1.20	60	7.35	-8.28	-1.62
101b/DL	2.194	172.2	116.8	134.35	1,323	143.0	103.9	17.67	4.4	25.4	10.1	0.49	15.1	58.0	49.7	1.05	138	36.50	21.37	-1.23	43	-8.86	-14.09	0.53	61	354	-14.42	3.08
HJBW	2.127	147.6	60.1	110.86	1,477	201.3	98.6	51.35	4.4	28.4	12.9	0.02	16.4	64.0	37.0	0.36	164	49.66	46.21	2.45	45	-6.53	-8.11	0.80	67	14.75	1.98	3.21
HJNU-58	2.107	91.7	58.6	130.86	1,404	167.5	88.7	92.67	4.2	16.0	9.5	-0.24	16.5	46.9	37.9	-0.13	167	39.70	31.70	8.66	43	-7.14	-9.09	0.47	65	31.04	27.06	1.87
HJDL	2.233	90.9	68.2	-34.38	1,508	115.8	102.7	25.69	4.6	16.6	15.1	0.54	15.1	36.6	25.9	-0.61	155	38.80	35.88	0.01	43	-7.19	-9.79	-0.13	60	-2.29	-16.15	-0.06
HJ204W	2.548	100.9	91.9	341.82	1,503	105.6	102.0	156.31	4.4	19.3	14.7	0.35	17.4	50.4	45.1	1.02	137	15.43	9.19	-5.37	42	-8.96	-11.19	-1.13	58	4.82	-2.85	-4.42
BWDL	2.074	158.3	104.9	104.95	1,280	147.1	97.2	50.92	3.2	-8.7	-18.5	-0.52	14.2	55.8	41.4	0.23	145	33.21	27.24	0.17	45	-4.93	-9.40	0.26	54	-21.62	-24.81	1.18
BW/204W	2.272	152.2	88.0	364.75	1,348	144.0	87.7	255.74	4.3	31.6	20.6	0.48	16.8	73.5	50.6	2.09	149	29.69	18.21	15.96	44	-6.67	-10.74	-0.74	60	-4.31	-8.46	4.82
100sw/BW	2.324	297.4	198.1	412.54	1,444	370.0	282.2	152.75	4.1	35.6	32.6	0.13	16.0	104.9	88.6	2.03	185	77.13	72.68	19.11	42	-14.38	-15.54	-0.48	57	-2.44	-12.55	-0.85
Variety check 1	1.985				1,066			4.1					16.4				130				42				59			
Variety check 2	1.696				1,283			4.2					16.5				164				44				49			
Variety check 3	2.690				2,043			5.1					19.8				216				47				61			
F <sub>t</sub> test		**			**			**					**				**				**				**			
LSD <sub>0.05</sub>	216.94				140.20			0.25					1.11				3.30				1.30				3.3322			
% CV	7.81				8.08			3.90					4.77				1.39				1.80				3.57			

\*\* Significantly different at 0.01 levels of probability



**Figure 1** GGE-biplot of 30 waxy corn hybrids (V1-V30) for husk ear weight, husked ear weight and percent kernel weight in rainy season 2009.

ซึ่งสามารถใช้ในการคัดเลือกโดยอ้อม และศึกษาความแตกต่างของวิธีการคัดเลือกพันธุ์ (Yan and Kang, 2003)

จากการทดสอบพบว่า ทุกคู่สมมิผลผลิตต่ำกว่าพันธุ์ทดสอบที่ 3 แต่มีอายุเก็บเกี่ยวสั้น และมี % เนื้อสูงกว่าทำให้สามารถลดระยะเวลาในการปลูก และเพิ่มโอกาสในการแข่งขันทางการตลาด (Hallauer, 2001) นอกจากนี้จากการพิจารณาผลผลิต องค์ประกอบผลผลิต และลักษณะทางการเกษตรแล้ว การปรับปรุงพันธุ์ข้าวโพดรับประทานฝักสดจะต้องพิจารณา ทางด้านคุณภาพของผลผลิตร่วมด้วย ซึ่งลักษณะดังกล่าว มีความสำคัญเช่นเดียวกับลักษณะอื่นๆ และพันธุ์ข้าวโพดข้าวเหนียวจะได้รับการยอมรับจากเกษตรกร และผู้บริโภค จะต้องมีผลผลิตสูง และคุณภาพการรับประทานดี

## สรุป

จากการศึกษาครั้งนี้พบว่า สายพันธุ์แท้ HJ มีความเหมาะสมเป็นสายพันธุ์แม่ เนื่องจากมีความสามารถในการรวมตัวทั่วไปในลักษณะผลผลิตสูง และมีผลผลิตเมล็ดพันธุ์สูง สำหรับสายพันธุ์แท้ BW และ DL มีความเหมาะสมเป็นสายพันธุ์พ่อ จากการวิเคราะห์ด้วยโปรแกรม GGE-biplot พบว่า คู่สม HJ/BW และ HJ/NU-58 มีศักยภาพของผลผลิตสูงที่สุด

## กิตติกรรมประกาศ

ขอขอบคุณศูนย์พันธุ์วิศวกรรมและเทคโนโลยีชีวภาพแห่งชาติ และศูนย์วิจัยปรับปรุงพันธุ์พืชเพื่อการเกษตรที่อยู่บ้าน ศูนย์เกษตรศาสตร์ มหาวิทยาลัยขอนแก่น ที่สนับสนุนงบประมาณในการวิจัย ในครั้งนี้

## เอกสารอ้างอิง

- ปรัชญา รัศมีธรรมวงศ์. 2550. ข้าวโพดข้าวเหนียว-ข้าวโพดเทียน พันธุ์ใหม่ ผลงานเด่นจากไบโอเทค ทางเลือกใหม่ สร้างรายได้ยั่งยืนแก่เกษตรกร. เทคโนโลยีชาวบ้าน 20: 30-31.
- Baker, L.R. 1978. Issue in diallel analysis. Crop Science 18: 533-536.
- Hallauer A.R. 2001. Specialty Corns. Second Edition. CRC PRESS, New York.
- Hallauer A.R. and J.B. Miranda. 1988. Quantitative Genetics in Maize Breeding, 2<sup>nd</sup> ed. Iowa State University Press, Ames.
- Yan W. and J. Fregeau-Reid. 2008. Breeding line selection base on multiple traits. Crop Science 48: 417-413.
- Yan W. and M.S. Kang. 2003. GGE Biplot Analysis; A Graphical Tool for Breeders, Geneticists, and Agronomists. CRC PRESS. Washington, D.C.